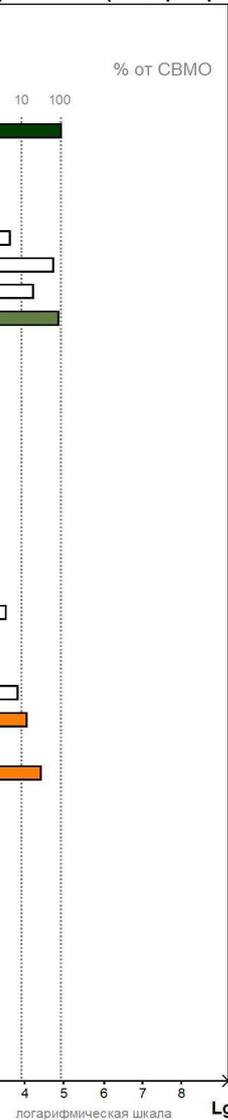


**Пациент: ТЕСТ**
**Заказ: 7018515452**
**Дата регистрации: 18.01.2024**
**Дата рождения: 01.01.1990**
**Возраст: 34 г.**
**Пол: М**
**ЛПУ: Образец результата**
**Код ЛПУ: 99991264**
**Исследование биоценоза урогенитального тракта у мужчин, расширенное (Андрофлор-24)**

| №   | Название исследования                                       | Результат         |                          |
|---|---|-------------------|--------------------------|
|   |   | Количественный    | Относительный Lg(X/СВМО) |
|   | Геномная ДНК человека                                       | 10 <sup>4.5</sup> | <input type="checkbox"/> |
| 1   | Общая бактериальная масса                                   | 10 <sup>4.9</sup> | <input type="checkbox"/> |
| Транзиторная микрофлора   |   |                   |                          |
| 2   | Lactobacillus spp.  | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| Нормофлора  |   |                   |                          |
| 3   | Staphylococcus spp.   | 10 <sup>3.6</sup> | -1.3 (4-6%)              |
| 4   | Streptococcus spp.  | 10 <sup>4.7</sup> | -0.2 (54-73%)            |
| 5   | Corynebacterium spp.  | 10 <sup>4.2</sup> | -0.7 (17-23%)            |
|   | Сумма: Нормофлора   | 10 <sup>4.8</sup> | -0.1 (75-100%)           |
| УПМ, ассоциированные с баквагинозом                             |   |                   |                          |
| 6   | Gardnerella vaginalis                                       | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| 7   | Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.        | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| 8   | Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.      | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| 9   | Ureaplasma urealyticum *                                    | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| 10  | Ureaplasma parvum *   | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| 11  | Mycoplasma hominis *  | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| 12  | Atopobium cluster   | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
|   | Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом                  | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| УПМ анаэробы  |   |                   |                          |
| 13  | Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.     | 10 <sup>3.5</sup> | -1.4 (3-5%)              |
| 14  | Anaerococcus spp.   | 10 <sup>3.1</sup> | -1.8 (1.3-1.8%)          |
| 15  | Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.                   | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| 16  | Eubacterium spp.  | 10 <sup>3.8</sup> | -1.1 (7-9%)              |
|   | Сумма: УПМ анаэробы   | 10 <sup>4.0</sup> | -0.9 (11-16%)            |
| УПМ Haemophilus spp.  |   |                   |                          |
| 17  | Haemophilus spp.  | 10 <sup>4.4</sup> | -0.5 (27-36%)            |
| УПМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp. |   |                   |                          |
| 18  | Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp. | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.                 |   |                   |                          |
| 19  | Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.                 | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| Дрожжевые грибы   |   |                   |                          |
| 20  | Candida spp. *  | ниже ПЗ ***       | <input type="checkbox"/> |
| Патогены  |   |                   |                          |
| 21  | Mycoplasma genitalium **                                    | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| 22  | Trichomonas vaginalis **                                    | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| 23  | Neisseria gonorrhoeae **                                    | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |
| 24  | Chlamydia trachomatis **                                    | не выявлено       | <input type="checkbox"/> |



\* Абсолютный анализ Lg(X) \*\* Качественный анализ \*\*\* Ниже порогового значения

**Заключение**

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.

Candida spp. ниже порогового значения.

Структура бактериального микробиома не соответствует норме: присутствуют условно-патогенные микроорганизмы

Результат лабораторного исследования не является диагнозом, интерпретация результатов проводится с учетом клинических проявлений и данных анамнеза.

 Лицензия № Л041-01137-77/00311104 от 19.01.2017 г.  
 ISO 9001:2015 сертификат соответствия №RU.097A.00415, действителен до 19.10.2025  
 ГОСТ Р ИСО 15189-2015 (ISO 15189:2012) сертификат соответствия №РОСС RU.32101.04ЖЗА1.209, действителен до 20.10.2025

**ИТОГОВЫЙ РЕЗУЛЬТАТ Врач КЛД: Станкевич Л. И.**

Страница 1 из 2

Дата готовности результата: 18.01.2024 14:31

 Дата печати результата: 18.01.2024 14:32:08 **Результат выдал:**

подпись



**Пациент: ТЕСТ**
**Заказ: 7018515452**
**Дата регистрации: 18.01.2024**
**Дата рождения: 01.01.1990**
**Возраст: 34 г.**
**Пол: М**
**ЛПУ: Образец результата**
**Код ЛПУ: 99991264**

**Исследование микрофлоры уrogenитального тракта мужчин  
 методом ПЦР в режиме реального времени  
 Андрофлор®, Андрофлор®Скрин  
 Описание бланка результатов**

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняются:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин\*.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный». Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза. Степень дисбиоза оценивается только при ОБМ>105.

Для удобства трактовки результатов\*\* в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

**Контрольные показатели** (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзитная микрофлора):

- соответствие критериям
- не соответствие критериям

**Нормофлора:**

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

**УПМ и дрожжеподобные грибы:**

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

**Патогены:**

- не выявлено
- обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как «Нормоценоз» без оценки структуры микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

\* *Homer PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. Int J STD AIDS, 2016 Oct;27(11):928-37.*

\*\* более подробно алгоритм трактовки результатов – на <http://www.dna-technology.ru>.