

Пациент: ТЕСТ ТЕСТ			
Заказ:	Дата регистрации: 29.01.2026		
Дата рождения: 01.01.2000	Возраст: 26 л.	Пол: Ж	Беременность: 10 нед.
ЛПУ: Тестовый Генетика		Код ЛПУ: 99991271	

ГЕНЕТИЧЕСКИЕ ИССЛЕДОВАНИЯ.

Дата взятия биоматериала: 31.12.2025	Материал: Венозная кровь (пробирка со стабилизатором внеклеточной ДНК)
Заявка: 00123123123/1	Тип беременности: 1. Одноплодная
Исследование: НИПТ ВЕСТА базовый (неинвазивный пренатальный тест, трисомии 21, 18, 13)	

Фетальная фракция, %	Референсные значения	Комментарий
8,00	>=4 %	Фетальной фракции ДНК достаточно для достоверной оценки риска

Определяемый показатель	Результат исследования	Вероятность риска	Комментарий
Трисомия 21 (Синдром Дауна)	Низкий риск	0,01%	
Трисомия 18 (Синдром Эдвардса)	Низкий риск	0,01%	
Трисомия 13 (Синдром Патау)	Низкий риск	0,01%	
Наличие Y-хромосомы	Есть		

Комментарий: При одноплодной беременности пол плода мужской, при наличии – Y хромосомы, и женский, при ее отсутствии. В случае беременности двойней невозможно определить индивидуальный пол каждого плода. В таких случаях присутствие Y- хромосомы следует интерпретировать как означающее, что один или оба плода имеют мужской пол. Отсутствие Y-хромосомы следует интерпретировать как то, что оба плода имеют женский пол. Точность определения пола плода составляет 99%.

Заключение к исследованию: Результаты проведенного тестирования фетальной фракции ДНК указывают на низкий риск наличия у плода трисомии 18 (синдром Эдвардса), трисомии 21 (синдром Дауна), трисомии 13 (синдром Патау)

Описание исследования: НИПТ — высокоточное неинвазивное пренатальное тестирование методом NGS, которое выявляет хромосомные анеуплоидии, включая трисомии 13, 18 и 21.

Тест основан на анализе свободноциркулирующей ДНК плода, определяемой в крови женщины с 10-й недели беременности.

НИПТ использует технологию линейной амплификации ДНК, позволяющую избежать клонального накопления ошибок ПЦР и минимального количественного искажения библиотеки.

ВАЖНО! Тест направлен на выявление аномалий только перечисленных выше хромосом, с его помощью нельзя выявить все генетические аномалии и анеуплоидии половых хромосом (X и Y).

Исследование выполняется с помощью системы высокопроизводительного секвенирования Illumina NextSeq 550 (P3N 2021/13216), обеспечивающей высокие показатели чувствительности при определении трисомий 21, 18 и 13, которая оценивается в 99,17%, 98,24% и 97,8% соответственно. Однако ни одна из существующих лабораторных тест-систем не может гарантировать отсутствие у плода любых генетических отклонений.

Отрицательный результат тестирования не может полностью исключить все возможные хромосомные нарушения, связанные с 21, 18, 13 хромосомами, такие как микроделеции/микродупликации небольших участков хромосом. Методика исследования не позволяет исключить мозаицизм у плода и/или плацентарный мозаицизм по исследуемым хромосомам, транслокации хромосом и триплоидию.

Тестирование неприменимо при беременности более чем двумя плодами, количестве фетальной фракции ДНК менее 4% и сроке беременности менее 10 недель.

Ограничениями для проведения теста также является одноплодная беременность двойней (синдром «исчезающего близнеца»), трансплантация внутренних органов или костного мозга в анамнезе, переливание крови в течение последнего года, наличие онкологического заболевания у беременной.

Для правильной интерпретации результатов исследования рекомендована консультация врача-генетика.

Результат лабораторного исследования не является диагнозом, интерпретация результатов проводится с учетом клинических проявлений и данных анамнеза.

АО «ЛК-ГЕНЕТИКА», - 1227700289013
121059, Россия, г. Москва, вн.тер.г. муниципальный округ Дорогомиловское, наб. Бережковская, д. 20, стр. 95, этаж/ком. 1/1
Лицензия №1041-01137-77/00956857 от 04.12.2023г.

Протокол исследования выполнил: **Руководитель группы репродуктивной генетики, врач-генетик:** Свирепова К. А.

Окончательный результат выпущен: **Директор производства ЛабКвест, врач КЛД, к.м.н. Станкевич Л.И.**

Страница 1 из 1

Дата готовности результата: 29.01.2026 11:20

Дата печати результата: 29.01.2026 11:21:26

